

SEQUENZPROTOKOLL

(1) ALLGEMEINE ANGABEN:

5

(i) ANMELDER:

- (A) NAME: Dr.Rentschler Biotechnologie GmbH
- (B) STRASSE: Erwin-Rentschler-Str. 21
- (C) ORT: Laupheim
- (D) LAND: Deutschland
- (F) POSTLEITZAHL: D-88471

10

(ii) BEZEICHNUNG DER ERFINDUNG: Flüssige Interferon-  
15 β Formulierungen

15

(iii) ANZAHL DER SEQUENZEN: 14

20

(iv) COMPUTER-LESBARE FASSUNG:

- (A) DATENTRÄGER: Floppy disk
- (B) COMPUTER: IBM PC compatible
- (C) BETRIEBSSYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
- (D) SOFTWARE: PatentIn Release #1.0, Version  
#1.30 (EPA)

25

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 1:

30

(i) SEQUENZKENNZEICHEN:

- (A) LÄNGE: 7 Aminosäuren
- (B) ART: Aminosäure
- (C) STRANGFORM: Einzelstrang
- (D) TOPOLOGIE: linear

35

(ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

35

(viii) POSITION IM GENOM:

- (B) KARTENPOSITION: 109-115

40

(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 1:

Glu Asp Phe Thr Arg Gly Lys  
1 5

45

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 2:

45

(i) SEQUENZKENNZEICHEN:

- (A) LÄNGE: 6 Aminosäuren
- (B) ART: Aminosäure
- (C) STRANGFORM: Einzelstrang
- (D) TOPOLOGIE: linear

50

(ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

55

(viii) POSITION IM GENOM:

- (B) KARTENPOSITION: 100-105

(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 2:

5           Thr Val Leu Glu Glu Lys  
1                           5

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 3:

(i) SEQUENZKENNZEICHEN:

10           (A) LÄNGE: 7 Aminosäuren  
              (B) ART: Aminosäure  
              (C) STRANGFORM: Einzelstrang  
              (D) TOPOLOGIE: linear

15           (ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

(viii) POSITION IM GENOM:

              (B) KARTENPOSITION: 46-52

20           (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 3:

25           Gln Leu Gln Gln Phe Gln Lys  
1                           5

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 4:

25           (i) SEQUENZKENNZEICHEN:

30           (A) LÄNGE: 8 Aminosäuren  
              (B) ART: Aminosäure  
              (C) STRANGFORM: Einzelstrang  
              (D) TOPOLOGIE: linear

(ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

35           (viii) POSITION IM GENOM:

              (B) KARTENPOSITION: 116-123

(ix) MERKMALE:

40           (A) NAME/SCHLÜSSEL: Modified-site  
              (B) LAGE: 2  
              (D) SONSTIGE ANGABEN: /product= "Xaa = Met (oxi-  
              diert)"

(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 4:

45           Leu Xaa Ser Ser Leu His Leu Lys  
1                           5

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 5:

50           (i) SEQUENZKENNZEICHEN:

              (A) LÄNGE: 8 Aminosäuren  
              (B) ART: Aminosäure  
              (C) STRANGFORM: Einzelstrang  
              (D) TOPOLOGIE: linear

55           (ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

(viii) POSITION IM GENOM:  
(B) KARTENPOSITION: 116-123

5 (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 5:

Leu Met Ser Ser Leu His Leu Lys  
1 5

10 (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 6:

15 (i) SEQUENZKENNZEICHEN:  
(A) LÄNGE: 12 Aminosäuren  
(B) ART: Aminosäure  
(C) STRANGFORM: Einzelstrang  
(D) TOPOLOGIE: linear

(ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

20 (viii) POSITION IM GENOM:  
(B) KARTENPOSITION: 34-45

25 (ix) MERKMAL:  
(A) NAME/SCHLÜSSEL: Modified-site  
(B) LAGE: 3  
(D) SONSTIGE ANGABEN: /product= "Xaa = Met (oxi-  
diert)"

(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 6:

30 Asp Arg Xaa Asn Phe Asp Ile Pro Glu Glu Ile Lys  
1 5 10

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 7:

35 (i) SEQUENZKENNZEICHEN:  
(A) LÄNGE: 11 Aminosäuren  
(B) ART: Aminosäure  
(C) STRANGFORM: Einzelstrang  
(D) TOPOLOGIE: linear

40 (ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

(viii) POSITION IM GENOM:  
(B) KARTENPOSITION: 124-134

45 (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 7:

50 Arg Tyr Tyr Gly Arg Ile Leu His Tyr Leu Lys  
1 5 10

55 (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 8:

(i) SEQUENZKENNZEICHEN:  
(A) LÄNGE: 12 Aminosäuren  
(B) ART: Aminosäure  
(C) STRANGFORM: Einzelstrang  
(D) TOPOLOGIE: linear

(ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

(viii) POSITION IM GENOM:

(B) KARTENPOSITION: 34-45

5

(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 8:

Asp Arg Met Asn Phe Asp Ile Pro Glu Glu Ile Lys  
1 5 10

10

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 9:

(i) SEQUENZKENNZEICHEN:

(A) LÄNGE: 14 Aminosäuren

15

(B) ART: Aminosäure

(C) STRANGFORM: Einzelstrang

(D) TOPOLOGIE: linear

(ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

20

(viii) POSITION IM GENOM:

(B) KARTENPOSITION: 20-33

25

(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 9:

Leu Leu Trp Gln Leu Asn Gly Arg Leu Glu Tyr Cys Leu Lys  
1 5 10

30

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 10:

35

(i) SEQUENZKENNZEICHEN:

(A) LÄNGE: 19 Aminosäuren

(B) ART: Aminosäure

(C) STRANGFORM: Einzelstrang

(D) TOPOLOGIE: linear

(ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

(viii) POSITION IM GENOM:

40

(B) KARTENPOSITION: 1-19

(ix) MERKMALE:

(A) NAME/SCHLÜSSEL: Modified-site

(B) LAGE: 1

45 (D) SONSTIGE ANGABEN: /product= "Xaa = Met(oxi-  
diert)"

(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 10:

50 Xaa Ser Tyr Asn Leu Leu Gly Phe Leu Gln Arg Ser Ser Asn Phe Gln  
1 5 10 15

Cys Gln Lys

55

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 11:

(i) SEQUENZKENNZEICHEN:

5 (A) LÄNGE: 19 Aminosäuren  
(B) ART: Aminosäure  
(C) STRANGFORM: Einzelstrang  
(D) TOPOLOGIE: linear

10 (ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

15 (viii) POSITION IM GENOM:  
(B) KARTENPOSITION: 1-19

20 (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 11:

25 Met Ser Tyr Asn Leu Leu Gly Phe Leu Gln Arg Ser Ser Asn Phe Gln  
1 5 10 15  
Cys Gln Lys

25 (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 12:

30 (i) SEQUENZKENNZEICHEN:  
(A) LÄNGE: 30 Aminosäuren  
(B) ART: Aminosäure  
(C) STRANGFORM: Einzelstrang  
(D) TOPOLOGIE: linear

35 (ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

40 (viii) POSITION IM GENOM:  
(B) KARTENPOSITION: 137-166

45 (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 12:

50 Glu Tyr Ser His Cys Ala Trp Thr Ile Val Arg Val Glu Ile Leu Arg  
1 5 10 15  
Asn Phe Tyr Phe Ile Asn Arg Leu Thr Gly Tyr Leu Arg Asn  
20 25 30

55 (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 13:

40 (i) SEQUENZKENNZEICHEN:  
(A) LÄNGE: 47 Aminosäuren  
(B) ART: Aminosäure  
(C) STRANGFORM: Einzelstrang  
(D) TOPOLOGIE: linear

45 (ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

50 (viii) POSITION IM GENOM:  
(B) KARTENPOSITION: 53-99

55 (ix) MERKMAL:  
(A) NAME/SCHLÜSSEL: Modified-site  
(B) LAGE: 10  
(D) SONSTIGE ANGABEN: /product= "Xaa = Met (oxi-

diert)"

(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 13:

5           Glu Asp Ala Ala Leu Thr Ile Tyr Glu Xaa Leu Gln Asn Ile Phe Ala  
1                       5                   10                   15  
Ile Phe Arg Gln Asp Ser Ser Ser Thr Gly Trp Asn Glu Thr Ile Val  
20                   25                   30  
10           Glu Asn Leu Leu Ala Asn Val Tyr His Gln Ile Asn His Leu Lys  
                 35                   40                   45

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 14:

15           (i) SEQUENZKENNZEICHEN:

(A) LÄNGE: 47 Aminosäuren  
(B) ART: Aminosäure  
(C) STRANGFORM: Einzelstrang  
(D) TOPOLOGIE: linear

20           (ii) ART DES MOLEKÜLS: Peptid

25           (viii) POSITION IM GENOM:

                 (B) KARTENPOSITION: 53-99

25           (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 14:

30           Glu Asp Ala Ala Leu Thr Ile Tyr Glu Met Leu Gln Asn Ile Phe Ala  
1                   5                   10                   15  
Ile Phe Arg Gln Asp Ser Ser Ser Thr Gly Trp Asn Glu Thr Ile Val  
20                   25                   30  
35           Glu Asn Leu Leu Ala Asn Val Tyr His Gln Ile Asn His Leu Lys  
                 35                   40                   45